

CONVOCATORIA DE EMPLEO		
REFERENCIA	FECHA DE APERTURA	FECHA DE CIERRE
COHORTE/CANTABRIA	28/10/2022	06/11/2022
PERFIL DEL CANDIDATO		
REQUISITOS EXCLUYENTES: (1)		
TITULACIÓN	Grado en Bioinformática	
MÉRITOS A VALORAR		
INFORMÁTICA	<ul style="list-style-type: none"> <li>DNA-Seq: análisis de secuenciación de exomas y genomas.</li> <li>Análisis de variantes genómicas.</li> <li>Análisis RNA-Seq y epigenómica.</li> <li>Análisis masivo de datos clínicos, OMOP Common Data Model (CDM)</li> <li>Análisis estadístico y visualización de resultados</li> </ul>	
IDIOMAS	Inglés	
EXPERIENCIA	Bioinformático/a en Centros o Institutos de Investigación	
FORMACIÓN	Master en Bioinformática	
OTROS	Participación en ponencias o publicaciones científicas del área de bioinformática	
DATOS DE CONTRATACIÓN		
TIPO DE CONTRATO	FECHA DE INCORPORACIÓN PREVISTA	JORNADA
Indefinido conforme al Artículo 23 Bis de la Ley 14/2011, de 01 de Junio, de la Ciencia, la Tecnología y la Innovación.	Noviembre	Completa: 35h/semana
REMUNERACIÓN	DURACIÓN ESTIMADA	
20.713,61€ bruto/año	Contrato indefinido vinculado a la duración del proyecto y a la disponibilidad económica en base al RDL8/2022	
CENTRO DE TRABAJO	SERVICIO / DEPARTAMENTO	
HUMV / IDIVAL	Cohorte	
DATOS DEL PUESTO DE TRABAJO		
PUESTO DE TRABAJO		
Técnico/a de Apoyo a la Investigación		
FUNCIONES:		
<ul style="list-style-type: none"> <li>Depuración, validación y control de calidad de datos ómicos.</li> <li>Desarrollo de protocolos de acceso y manejo masivo de datos clínicos y genéticos para investigación.</li> <li>Depuración y análisis de datos clínicos (modelo OMOP).</li> <li>Integración de datos clínicos y ómicos. Big Data Salud y estudios de Real-World Evidence.</li> <li>Mantenimiento y control de la documentación.</li> <li>Extracción de datos de los sistemas de información (Edhen) bajo demanda, análisis, interpretación y preparación de informes.</li> <li>Apoyo en la preparación de planes de gestión de datos.</li> <li>Soporte estadístico y formación</li> </ul>		
INVESTIGADOR PRINCIPAL / RESPONSABLE	GRUPO DE INVESTIGACIÓN / ÁREA	PROYECTO DE INVESTIGACIÓN
Marcos López Hoyos	Cohorte	COHORTE/CANTABRIA
PROCESO DE SELECCIÓN		

FASES DEL PROCESO DE SELECCIÓN (2)				BOLSA DE EMPLEO
<ul style="list-style-type: none"> <li>•Preselección</li> <li>•Entrevista: máximo candidatos a entrevistar: 3 Puntuación mínima para esta fase: 40</li> <li>•Informe del Tribunal</li> <li>•Resolución</li> </ul>				SÍ
TRIBUNAL DE SELECCIÓN				
<ul style="list-style-type: none"> <li>•Marcos López Hoyos, Investigador Principal y Director Científico</li> <li>•Galo Peralta Fernández, Director de Gestión</li> <li>•Patricia Álvarez Ingelmo, Coordinadora de Recursos Humanos (actuará de Secretaria del Tribunal)</li> </ul>				
TABLA DE PUNTUACIÓN DE MÉRITOS				
MÉRITO	EVALUACIÓN	VALORACIÓN		MÁXIMO
DNA-Seq; análisis de secuenciación de exomas y genomas	Curricular	Cumplimiento del mérito	SI/NO	6
Análisis de variantes genómicas	Curricular	Cumplimiento del mérito	SI/NO	6
Análisis RNA-Seq y epigenómica	Curricular	Cumplimiento del mérito	SI/NO	6
Análisis masivo de datos clínicos, OMOP Common Data Model (CDM)	Curricular	Cumplimiento del mérito	SI/NO	6
Análisis estadístico y visualización de resultados	Curricular	Cumplimiento del mérito	SI/NO	7
Bioinformático en Centros o Institutos de Investigación	Curricular	Nº meses	0.5 Punto/Mes	10
Master en Bioinformática	Documental	Cumplimiento del mérito	SI/NO	10
Inglés	Curricular	Nivel	B2: 2 C1: 3 C2: 5	5
Participación en ponencias o publicaciones científicas del área de bioinformática	Curricular	Nº de publicaciones	1 a 2: 1 ptos 3: 2 ptos 4 o más: 4 ptos	4
TABLA DE PUNTUACIÓN TOTAL				
<b>PUNTUACIÓN TOTAL MÁXIMA POR MÉRITOS</b>				<b>60</b>
<b>PUNTUACIÓN TOTAL MÁXIMA EN ENTREVISTA</b>				<b>40</b>
<b>PUNTUACIÓN TOTAL MÁXIMA</b>				<b>100</b>

(1) No subsanable

(2) Ver duración de cada fase en el documento "Proceso de Selección"